

Nationalité française  
Né le 22 avril 1974  
Marié, 2 enfants

Université de Montpellier  
IMAG, Case Courrier 51  
Place Eugène Bataillon  
34095 Montpellier cedex 5

jean-michel.marin@umontpellier.fr  
<https://imag.umontpellier.fr/~marin/>

---

**Professeur en Statistique et Probabilités Numériques**  
**Directeur de la Faculté des Sciences de Montpellier**

---

**Situation administrative**

---

- depuis 2008* Université de Montpellier (Montpellier, France)  
**Professeur** section CNU 26  
Institut Montpelliérain Alexander Grothendieck
- 2007–2008* École Polytechnique (Palaiseau, France)  
**Professeur Chargé de Cours à temps partiel**
- 2004–2008* INRIA Saclay Île-de-France, Projet SELECT  
**Chargé de Recherche**  
Laboratoire de Mathématiques d’Orsay, Université Paris-Saclay (Orsay, France)
- 2002–2004* Université Paris Dauphine (Paris, France)  
**Maître de Conférences** section CNU 26  
Centre de Recherche en Mathématiques de la Décision
- 2001–2002* Université Paris Dauphine (Paris, France)  
**Attaché Temporaire d’Enseignement et de Recherche** section CNU 26  
Centre de Recherche en Mathématiques de la Décision
- 2001–2002* Université Bretagne-Sud (Vannes, France)  
**Attaché Temporaire d’Enseignement et de Recherche** section CNU 26  
Laboratoire de Statistique Appliquée Bretagne-Sud

---

## Cursus universitaire

---

- 2007 **Habilitation à Diriger des Recherches**  
Université Paris Dauphine, le 14 décembre 2007  
Titre : *Méthodes de Monte-Carlo adaptatives et statistique bayésienne*
- 2001 **Docteur** en mathématiques appliquées option statistique et probabilités  
Université Paul Sabatier (Toulouse, France), le 26 octobre 2001  
Titre : *Statistique des modèles à structure de covariance bande-diagonale linéaire*
- 1997 **DEA Mathématiques Appliquées** option statistique et probabilités  
Université Paul Sabatier
- 1997 **Magistère d'Économiste-Statisticien**  
Toulouse School of Economics
- 

## Principales responsabilités collectives

---

- depuis 2022* **Directeur de la Faculté des Sciences de Montpellier**  
environ 9000 étudiants
- 2018–2022* **Directeur-Adjoint de la Faculté des Sciences de Montpellier**  
en charge de la politique scientifique
- 2018–2021* **Président de la Société Française de Statistique**  
Société savante dans le domaine des mathématiques  
environ 1000 membres personnes physiques
- 2015–2021* **Directeur de l'Institut Montpelliérain Alexander Grothendieck**  
UMR CNRS 5149, plus de 100 membres permanents
- 2010–2015* **Directeur-Adjoint de l'Institut de Mathématiques et Modélisation**  
de Montpellier, UMR CNRS 5149
- 2006–2011* **Secrétaire Général** de la Société Française de Statistique

---

## Activités d'enseignement

---

Domaine des statistiques et des probabilités, spectre large, publics divers

### Liste non exhaustive des enseignements dont j'ai eu l'entière responsabilité depuis 2008 à Faculté des Sciences de Montpellier

- depuis 2021* Cours/TP de **Programmation R**  
Masters Mathématiques et Bioinformatique, première année  
Parcours Bioinformatique ; Statistique et Sciences des Données
- depuis 2019* Cours de **Statistique bayésienne**  
Master Mathématiques, deuxième année  
Parcours Statistique et Sciences des Données & IDIL
- depuis 2015* Cours/TD/TP de **Modèles linéaires généralisés / Machine Learning**  
Master Mathématiques, deuxième année  
Parcours Statistique et Sciences des Données & IDIL
- 2008–2021* Cours/TD/TP de **Analyse mathématique du risque, scoring**  
Master Mathématiques, deuxième année  
Parcours Mathématiques de l'Information et de la Décision
- 2011–2015* Cours/TD/TP **Statistique computationnelle**  
Master Mathématiques Statistique et Application, première année  
Parcours Biostatistique et MASS
- 2010–2012* Cours/TD **Statistique paramétrique et non paramétrique**  
Master Mathématiques Statistique et Application, première année  
Parcours Biostatistique et MASS
- 2008–2015* Cours **Méthodes de Monte-Carlo et algorithmes stochastiques**  
Master Mathématiques Statistique et Application, deuxième année  
Parcours Biostatistique
- 2008–2014* Cours/TD **Statistique inférentielle**  
Licence Mathématiques, troisième année

---

## Responsabilités pédagogiques

---

- 2010–2013* **Responsable du Master Mathématiques Statistique et Applications**  
Université Montpellier 2
- 2009–2011* **Responsable du Parcours Biostatistique**  
**Master Mathématiques Statistique et Applications**  
Université Montpellier 2

---

## Activités de recherche

---

Statistique bayésienne, Choix de modèles  
Méthodes d'inférence bayésienne approchées (Approximate Bayesian Computation)  
Méthodes de Monte-Carlo et d'échantillonnage préférentiel, Génétique des populations

---

## Participation à des contrats ou réseaux

---

- depuis 2024* co-porteur projet AGROSTAT du **PEPR Maths-VivES**  
Statistiques pour l'évolution et la dynamique des populations  
et espèces d'intérêt agronomique
- 2018–2023* porteur IMAG projet **ANR ABSint** piloté par Christian Robert  
Solutions bayésiennes approchées pour l'inférence  
dans de grands jeux de données et dans des modèles complexes
- 2018–2023* Responsable de l'**Initiative Clé de l'I-Site MUSE Data and Life Sciences**  
financement de 620000 euros pour cinq ans
- 2012–2018* membre du comité de direction de l'**Institut de Biologie Computationnelle**  
co-responsable de l'axe passage à l'échelle des analyses évolutive  
PIA porté par Olivier Gascuel (2012–2015) et Éric Rivals (2015–2018)
- 2010–2015* membre du comité de pilotage du **Labex NUMEV**  
Solutions Numériques, Matérielles et Modélisation pour l'Environnement  
et le Vivant

- 2009–2014 porteur I3M projet **ANR EMILE**, piloté par Renaud Vitalis  
ayant succédé en 2012 à Jean-Marie Cornuet  
Étude de Méthodes Inférentielles et Logiciels pour l'Evolution
- 2008–2012 membre projet **ANR BIG'MC**, piloté par Gersende Fort  
Méthodes de Monte-Carlo en grande dimension
- 2005–2008 membre projet **ANR MISGEPOP**, piloté par Jean-Marie Cornuet  
Inférence statistique en génétique des populations
- 2005–2008 membre projet **ANR ADAP'MC**, piloté par Éric Moulines  
Méthodes de Monte-Carlo adaptatives
- 

### Responsabilités éditoriales

---

- 2018–2022 **Éditeur associé de la revue Bayesian Analysis**
- 2009–2021 **Éditeur associé du Journal de la Société Française de Statistique**
- 

### Encadrements et Co-encadrements de thèses

---

- depuis 2022 **Guillaume Le Mailloux**, *Méthodes d'inférence statistique pour modèles complexes et jeux de données de grande taille : développements méthodologiques et application en génomique évolutive des populations*  
soutenue prévue à l'automne 2025
- 2018–2021 **Raphaël Romero**, *Prédiction des sites de fixation des facteurs de transcription*  
soutenue le 14/11/2021 à Montpellier
- 2016–2019 **Louis Raynal**, *Statistical inference for intractable likelihood models*  
soutenue le 10/09/2019 à Montpellier  
**Statisticien, CHD Vendée**
- 2015–2018 **May Taha**, *Probing sequence-level instructions for gene expression*  
soutenue le 28/10/2018 à Montpellier  
**Ingénieure de recherche chez BIOASTER**

- 2013–2016 **Coralie Merle**, *Nouvelles méthodes d'inférence de l'histoire démographique à partir de données génétiques*  
soutenue le 12/12/2016 à Montpellier  
**Enseignante dans le secondaire**
- 2012–2015 **Julien Stoehr**, *Méthodes d'inférence statistique pour champs de Gibbs*  
soutenue le 29/10/2015 à Montpellier  
**Maître de Conférences, Université Paris Dauphine**
- 2009–2012 **Mohammed Sedki**, *Echantillonnage préférentiel adaptatif et méthodes bayésiennes approchées appliquées à la génétique des populations*  
soutenue le 31/10/2012 à Montpellier  
**Maître de Conférences, Université Paris-Saclay**
- 2007–2010 **Pierre Barbillon**, *Plans d'expérience pour l'analyse des gros codes numériques*  
soutenue le 21/11/2010 à Orsay  
**Maître de Conférences, AgroParisTech**
- 2006–2009 **Jean-Patrick Baudry**, *Sélection de modèles pour la classification non supervisée, choix du nombre de composantes*  
soutenue 03/12/2009 à Orsay  
**Maître de Conférences, Sorbonne Université**

---

### Comités scientifiques et d'organisations

---

- 2016 président du Comité Organisation **47-ièmes Journées de Statistique**, Montpellier
- 2014 président du Comité Scientifique **45-ièmes Journées de Statistique**, Rennes
- 2013 membre du Comité Scientifique **44-ièmes Journées de Statistique**, Toulouse
- 2012–2014 membre des Comités Scientifiques et d'Organisation **Workshops MCEB**  
Mathematical and Computational Evolutionary Biology  
Juin 2012, Mai 2013 et Juin 2014, Montpellier
- 2009 membre du Comité Scientifique des **41-ièmes Journées de Statistique**, Bordeaux
- 2008 membre du Comité d'Organisation des **40-ièmes Journées de Statistique**, Ottawa

---

## Logiciels

---

4. **R library mafR** (version 1.1.6, septembre 2024) Interface for Masked Autoregressive Flows
  3. **DIYABC Random Forest** (version 1.0, mars 2021) Approximate Bayesian Computation via Random Forests, for model choice and parameter inference in the context of population genetics analysis
  2. **R library abcrf** (version 1.9, août 2022) Approximate Bayesian Computation via Random Forests
  1. **DIYABC** (version 2.1.0, juillet 2015) a user-friendly approach to Approximate Bayesian Computation for inference on population history using molecular markers
- 

## Liste de publications

---

### Habilitation à Diriger des Recherches

**Marin** (2007) *Méthodes de Monte-Carlo adaptatives et statistique bayésienne*, Habilitation à Diriger des Recherches de l'**Université Paris Dauphine**

---

### Thèse

**Marin** (2001) *Statistique des modèles à structure de covariance bande-diagonale linéaire*, Thèse de l'**Université Paul Sabatier de Toulouse**

---

### Livres (2)

2. **Marin** and Robert (2014) **Bayesian Essentials with R**, Springer Texts in Statistics, Springer, New York
  1. **Marin** and Robert (2007) **Bayesian Core : A Practical Approach to Computational Bayesian Statistics**, Springer Texts in Statistics, Springer, New York
-

## Publications dans des revues avec comités de lecture (51)

51. Romero, Menichelli, Vroland, **Marin**, Lèbre, Lecellier and Brehelin (2024) Systematic analysis of the sequence features involved in the binding preferences of transcription factors, **Genome Biology**, 25, 187
50. Cleyneen, Raynal and **Marin** (2023) Local Tree Methods for Classification : A Review and Some Dead Ends, **Computo**
49. Pavinato, De Mita, **Marin** and de Navascués (2022) Joint inference of adaptive and demographic history from temporal population genomic data, **Peer Community Journal**, 2(e78)
48. Collin, Raynal, Durif, Gautier, Vitalis, Lombaert, **Marin** and Estoup (2021) Extending approximate Bayesian computation with supervised machine learning to infer demographic history from genetic polymorphisms using DIYABC Random Forest, **Molecular Ecology Resources**, 21(8), 2598–2613
47. Chapuis, Raynal, Plantamp, Meynard, Blondin, **Marin** and Estoup (2020) A young age of subspecific divergence in the Desert locust *Schistocerca gregaria*, inferred by ABC Random Forest, **Molecular Ecology**, 29(23), 4542–4558
46. **Marin**, Pudlo and Sedki (2019) Consistency of Adaptive Importance Sampling and Recycling Schemes, **Bernoulli**, 25(3), 1977–1998
45. Raynal, **Marin**, Pudlo, Ribatet, Robert and Estoup (2019) ABC random forests for Bayesian parameter inference, **Bioinformatics**, 35(10), 1720–1728
44. Bessière, Taha, Petitprez, Vandell, **Marin**, Bréhélin, Lèbre and Lecellier (2018) Probing instructions for expression regulation in gene nucleotide compositions, **PLOS Computational Biology**, 14(1), e1005921
43. Estoup, Raynal, Verdu, **Marin** (2018) Model choice using Approximate Bayesian Computation and Random Forests : analyses based on model grouping to make inferences about the genetic history of Pygmy human populations, **Journal de la Société Française de Statistique**, 159(3), 167–190
42. Rousset and **Marin** (2018) Editorial for the Special Issue on Models and Inference in Population Genetics, **Journal de la Société Française de Statistique**, 159(3), 124–125
41. Fraimout, Debat, Fellous, Hufbauer, Foucaud, Pudlo, **Marin**, Price, Cattel, Chen, Deprá, Duyck, Guedot, Kenis, Kimura, Loeb, Loiseau, Martinez-Sañudo, Pascual, Polihronakis, Richmond, Shearer, Singh, Tamura, Xuéreb, Zhang and Estoup (2017) Deciphering the Routes of invasion of *Drosophila suzukii* by Means of ABC Random Forest, **Molecular Biology and Evolution**, 34 (4), 980–996



40. Stoehr, **Marin** and Pudlo (2016) Hidden Gibbs random fields model selection using Block Likelihood Information Criterion, **Stat**, 5(1), 158–172
39. Pudlo, **Marin**, Cornuet, Estoup, Gautier and Robert (2016) Reliable ABC model choice via random forests, **Bioinformatics**, 32(6), 859–866
38. Auffray, Barbillon and **Marin** (2014) Bounding rare event probabilities in computer experiments, **Computational Statistics and Data Analysis**, 80, 153–166
37. Cornuet, Pudlo, Veyssier, Dehne-Garcia, Gautier, Leblois, **Marin** and Estoup (2014) DIYABC v2.0 : a software to make Approximate Bayesian Computation inferences about population history using Single Nucleotide Polymorphism, DNA sequence and microsatellite data, **Bioinformatics**, 30(8), 1187–1189
36. **Marin**, Pillai, Robert and Rousseau (2014) Relevant statistics for Bayesian model choice, **Journal of the Royal Statistical Society, Series B**, 76(5), 833–859
35. Cucala and **Marin** (2013) Bayesian Inference on a Mixture Model With Spatial Dependence, **Journal of Computational and Graphical Statistics**, 22(3), 584–597
34. Auffray, Barbillon and **Marin** (2012) Maximin design on non hypercube domain and kernel interpolation, **Statistics and Computing**, 22(3), 703–712
33. Besnard, Babled, Lapasset, Milhavet, Parrinello, Dantec, **Marin** and Lemaitre (2012) Unraveling cell type-specific and reprogrammable human replication origin signatures associated with G-quadruplex consensus motifs, **Nature Structural and Molecular Biology**, July 1
32. Celeux, El Anbari, **Marin** and Robert (2012) Regularization in regression : comparing Bayesian and frequentist methods in a poorly informative situation, **Bayesian Analysis**, 7(2), 477–502
31. Cornuet, **Marin**, Mira and Robert (2012) Adaptive Multiple Importance Sampling, **Scandinavian Journal of Statistics**, 39(4), 798–812
30. Donnet and **Marin** (2012) An empirical Bayes procedure for the selection of Gaussian graphical models, **Statistics and Computing**, 22(5), 1113–1123
29. Estoup, Lombaert, **Marin**, Guillemaud, Pudlo, Robert and Cornuet (2012) Estimation of demo-genetic model probabilities with Approximate Bayesian Computation using linear discriminant analysis on summary statistics, **Molecular Ecology Resources**, 12(5), 846–855
28. **Marin**, Pudlo, Robert and Ryder (2012) Approximate Bayesian Computation methods, **Statistics and Computing**, 22(6), 1167–1180
27. Robert, Cornuet, **Marin** and Pillai (2011) Lack of confidence in approximate Bayesian

- computation model choice, **Proceedings of the National Academy of Science**, 108(37), 15112–15117
26. Auffray, Barbillon and **Marin** (2011) Modèles réduits a partir d'expérience numériques, **Journal de Société Française de Statistique**, 152(1), 89–102
  25. Iacobucci, **Marin** and Robert (2010) On variance stabilisation by double Rao-Blackwellisation, **Computational Statistics and Data Analysis**, 54, 698–710
  24. Jouini, **Marin** and Napp (2010) Discounting and Divergence of Opinion, **Journal of Economic Theory**, 145(2), 830–859
  23. **Marin** and Robert (2010) On resolving the Savage-Dickey paradox, **Electronic Journal of Statistics**, 4, 643–654
  22. Beaumont, Cornuet, **Marin** and Robert (2009) Adaptive approximate Bayesian computation, **Biometrika**, 96(4), 983–990
  21. Casarin and **Marin** (2009) Online data processing : Comparison of Bayesian regularized particle filters, **Electronic Journal of Statistics**, 3, 239–258
  20. Cucala, **Marin**, Robert, and Titterington (2009) A Bayesian reassessment of nearest-neighbour classification, **Journal of the American Statistical Association, Theory and Methods**, March 1, 104(485), 263–273
  19. Grelaud, Robert, **Marin**, Rodolphe and Taly (2009) ABC likelihood-free methods for model choice in Gibbs random fields, **Bayesian Analysis**, 4(2), 317–336
  18. Grelaud, Robert and **Marin** (2009) ABC methods for model choice in Gibbs random fields, *Compte Rendus Académie des Sciences - Paris, Ser. I*, 347, 205–210
  17. Ben Mansour, Jouini, **Marin**, Napp and Robert (2008) Are risk agents more optimistic? A Bayesian estimation approach, **Journal of Applied Econometrics**, 23, 843–860
  16. Cappe, Douc, Gullin, **Marin** and Robert (2008) Adaptive Importance Sampling in General Mixture Classes, **Statistics and Computing**, 18, 447–459
  15. Cornuet, Santos, Beaumont, Robert, **Marin**, Balding, Guillemaud and Estoup (2008) Inferring population history with DIY ABC : a user-friendly approach Approximate Bayesian Computation, **Bioinformatics**, 24(23), 2713–2719
  14. **Marin** and Robert (2008) Approximating the marginal likelihood in mixture models, **Indian Bayesian Society News Letter**, V(1), 2–7
  13. Robert and **Marin** (2008) On some difficulties with a posterior probability approximation technique, **Bayesian Analysis**, 3(2), 427–442

12. Consonni and **Marin** (2007) Mean field variational Bayesian inference for latent variable models, **Computational Statistics and Data Analysis**, 52(2), 790–798
11. Douc, Guillin, **Marin** and Robert (2007) Minimum variance importance sampling via Population Monte Carlo, **ESAIM : Probability and Statistics**, 11, 427–447
10. Douc, Guillin, **Marin** and Robert (2007) Convergence of adaptive mixtures of importance sampling schemes, **Annals of Statistics**, 35(1), 420–448
9. Druilhet and **Marin** (2007) Invariant HPD and MAP based on Jeffreys measure, **Bayesian Analysis**, 2(4), 681–692
8. Kendall, **Marin** and Robert (2007) Confidence bands for Brownian motion and applications to Monte Carlo simulations, **Statistics and Computing**, 17(1), 1–10
7. **Marin** (2007) Estimation of variance components for a linear Toeplitz model, **Communications in Statistics : Theory and Methods**, 36(12), 2273–2288
6. Celeux, **Marin** and Robert (2006) Iterated importance sampling in missing data problems, **Computational Statistics and Data Analysis**, 50(12), 3386–3404
5. Celeux, **Marin** and Robert (2006) Sélection bayésienne de variables en régression linéaire, **Journal de la Société Française de Statistique**, 147(1), 59–79
4. Guillin, **Marin** and Robert (2005) Estimation bayésienne approximative par échantillonnage préférentiel, **Revue de Statistique Appliquée**, LIII(1), 79–95
3. Cappé, Guillin, **Marin** and Robert (2004) Population Monte Carlo, **Journal of Computational and Graphical Statistics**, 13(4), 907–929
2. **Marin** and Dhorne (2003) Optimal quadratic unbiased estimation for models with linear Toeplitz covariance structure, **Statistics**, 37(2), 85–99
1. **Marin** and Dhorne (2002) Linear Toeplitz covariance structure models with optimal estimators of variance components, **Linear Algebra and Its Applications**, 354(1-3), 195–212

---

### Chapitres d’ouvrages (8)

8. Celeux, Kamary, Malsiner-Walli, **Marin** and Robert (2019) Computational Solutions for Bayesian Inference in Mixture Models, **In Handbook of Mixture Analysis**, chapter 5, Chapman and Hall/CRC
7. Estoup, Verdu, **Marin**, Robert, Dehne-Garcia, Cornuet and Pudlo (2019) Application of approximate Bayesian computation to infer the genetic history of Pygmy hunter-gatherers populations from Western Central Africa, **In Handbook of Approximate Bayesian Computation**, chapter 18, Chapman and Hall/CRC

6. **Marin**, Pudlo, Estoup and Robert (2019) Likelihood-free model choice, **In Handbook of Approximate Bayesian Computation**, chapter 6, Chapman and Hall/CRC
  5. Robert, **Marin** and Rousseau (2011) Bayesian Inference and Computation, **In Handbook of Statistical Systems Biology**, chapter 3, John Wiley & Sons
  4. **Marin** and Robert (2010) Importance sampling methods for Bayesian discrimination between embedded models, **In Frontiers of Statistical Decision Making and Bayesian Analysis**, pages 513–527, Springer–Verlag
  3. Robert and **Marin** (2010) On computational tools for Bayesian analysis, **In Rethinking Risk Measurement and Reporting, Volume I, Uncertainty, Bayesian Analysis and Expert Judgement**, chapter 2, Risk Books
  2. Lee, **Marin**, Mengersen and Robert (2009) Bayesian inference on mixtures of distributions, **In Perspectives in Mathematical Sciences I, Probability and Statistics**, pages 165–202, World Scientific
  1. **Marin**, Mengersen and Robert (2005) Bayesian modelling and inference on mixtures of distributions, **In Handbook of Statistics 25, Bayesian Thinking Modeling and Computation**, pages 459–507, Elsevier
- 

### Actes publiés de conférences internationales (3)

3. **Marin**, Pudlo and Sedki (2012) Optimal parallelization of a sequential approximate Bayesian computation algorithm, WSC 2012, Berlin
  2. Auffray, Barbillon and **Marin** (2010) Maximin Design on Non-Hypercube Domain and Kernel Interpolation, Sixth International Conference on Sensitivity Analysis of Model Output, *Procedia - Social and Behavioral Sciences*, Volume 2, Issue 6, 7601–760
  1. Baudry, Celeux and **Marin** (2008) Selecting models focussing on the modeller’s purpose, COMPSTAT 2008 : Proceedings in Computational Statistics (P. Brito, Ed.), Physica-Verlag, Heidelberg, 337–348
- 

### Discussions

6. **Marin**, Josse and Robert (2017) Discussion on a paper of A. Gelman and C. Hennig : Beyond subjective and objective in statistics, *Journal of the Royal Statistical Society Series A*, 180, 4
5. **Marin** and Robert (2012) Discussion on a paper of P. Fearnhead and D. Prangle : Constructing summary statistics for approximate Bayesian computation : semi-automatic

- approximate Bayesian computation, *Journal of the Royal Statistical Society Series B*, 74, 3
4. **Marin** and Robert (2011) Discussion on a paper of M. Girolami and B. Calderhead : Riemann manifold Langevin and Hamiltonian Monte Carlo methods, *Journal of the Royal Statistical Society Series B*, 73, 2
  3. Iacobucci, **Marin**, Robert and Mengersen (2011) Discussion on a paper of H. Lopes, C. Carvalho, M. Johannes and N. Polson : Particle Learning for Sequential Bayesian Computation, *Bayesian Statistics 9*, Oxford University Press
  2. **Marin** and Casarin and Robert (2009) Discussion on a paper of H. Rue, S. Martino and N. Chopin : Approximate Bayesian inference for latent Gaussian models by using integrated nested Laplace approximations, *Journal of the Royal Statistical Society Series B*, 71, 2
  1. **Marin** and Robert (2002) Discussion on a paper of S. L. Lauritzen and T. S. Richardson : Chain graph models and their causal interpretation, *Journal of the Royal Statistical Society Series B*, 64, 3
- 

### Vulgarisation

3. **Marin** and Robert (2009) Statistique bayésienne : les bases, *Techniques de l'Ingénieur*, AF605
  2. François and **Marin** (2007) Initiation a R, *La revue Modulad*, 37, 83–101
  1. **Marin** and Rossi (2004) Découvrez les réseaux bayésiens, *GNU/Linux Magazine France*, 60, 56–65
- 

### Conférences internationales invités

34. Goodness of fit for Bayesian generative models, **Mathematical and Computational Evolutionary Biology (MCEB) 2024**, Hameau de l'étoile (juin 2024)
33. Goodness of fit for Bayesian generative models, **IMS International Conference on Statistics and Data Science (ICSIDS) 2023**, Lisbon (décembre 2023)
32. Goodness of fit for Bayesian generative models, **Autumn school in Bayesian Statistics 2023**, CIRM, Marseille (octobre 2023)
31. Uncertainty quantification for marginal computations, **Chimiométrie 2022**, Brest (juin 2022)

30. Bayesian model choice as a classification problem, **XV Latin American Congress of Probability and Mathematical Statistics (CLAPEM 2019)**, Merida (décembre 2019)
29. Bayesian model choice as a classification problem, **Bayesian Biostatistics 2019**, Lyon (mai 2019)
28. Some recent advances on Approximate Bayesian Computation techniques, **NIPS 17 PAC-Bayes workshop**, Long Beach (décembre 2017)
27. Approximate Bayesian Computation using Random Forests, **Joint Statistical Meetings 2017**, Baltimore (juillet 2017)
26. Validating and expanding Approximate Bayesian Computation, **BIRS Workshop**, Banff (février 2017)
25. Bayesian inference for mixture models in large dimension, what to expect and to do, **Working Group on Model-Based Clustering**, Paris (juillet 2016)
24. Approximate Bayesian Computation using Random Forests, **31st International Workshop on Statistical Modelling**, Rennes (juillet 2016)
23. ABC random forests for Bayesian parameter inference, **ISBA 2016 World Meeting**, Sardaigne (juin 2016)
22. ABC random forests for parameter inference, **ABCruise**, Helsinki (mai 2016)
21. Hidden Gibbs random fields model selection using Block Likelihood Information Criterion, **CRiSM Workshop on Estimating Constants**, Warwick (mai 2016)
20. Approximate Bayesian Computation for inference on population history using molecular markers, **Eleventh International Meeting on Computational Intelligence Methods for Bioinformatics and Biostatistics, CIBB 2014**, Cambridge (juin 2014)
19. ABC methods for Bayesian model choice, **Workshop Monte Carlo Inference for Complex Statistical Models**, Isaac Newton Institute for Mathematical Science, Cambridge (avril 2014)
18. Approximate Bayesian Computation inferences about population history using large molecular datasets, **MCM'Ski 2014**, Chamonix (janvier 2014)
17. Relevant statistics for Bayesian model choice, **ERCIM 2013**, Londres (décembre 2013)
16. Optimal parallelization of a sequential approximate Bayesian computation algorithm, **Winter Simulation Conference 2012**, Berlin (décembre 2012)

15. Approximate Bayesian computation methods for model choice application to latent Gibbs random fields, **ERCIM 2012**, Oviedo (décembre 2012)
14. Estimation of demo-genetic model probabilities with Approximate Bayesian Computation using linear discriminant analysis on summary statistics, **ISBA 2012 World Meeting**, Kyoto (juin 2012)
13. Bayesian inference on a mixture model with spatial dependence, **Workshop on Advances in MCMC**, ICMS, Edinburgh (avril 2012)
12. ABC methods for Bayesian model choice, **III COBAL & XXXVIII JNE**, Pucón (octobre 2011)
11. Recent advances in ABC (Approximate Bayesian Computation), **Workshop on Recent advances in Bayesian Computation**, Singapour (septembre 2010)
10. Bayesian discrimination between embedded models, **COMPSTAT 2010 Tutorial**, Paris (août 2010)
9. Recent Advances in ABC (Approximate Bayesian Computation) methodology, **SIS 2010 Meeting**, Padoue (juin 2010)
8. Bayesian discrimination between embedded models, **Workshop on Challenging problems in Statistical Learning**, Paris (janvier 2010)
7. ABC methods for model choice in Gibbs random fields, **ABC in Paris**, Paris (juin 2009)
6. Adaptive Importance Sampling in General Mixture Classes, **Adap'Ski Meeting**, Bormio (janvier 2008)
5. A Bayesian reassessment of nearest-neighbour classification, **Spring Bayes 2007**, Colangata (septembre 2007)
4. Adaptive multiple importance sampling, **Workshop on Bioinformatics, Genetics and Stochastic Computation : Bridging the Gap**, Banff (juillet 2007)
3. Variable selection in Gaussian linear regression, **The sixth International Workshop on Objective Bayesian Analysis**, Université La Sapienza, Rome (juin 2007)
2. Population Monte Carlo, **ISBA 2004 World Meeting**, Vina del Mar (mai 2004)
1. Convergence of adaptative sampling schemes, **Adap'Ski Meeting**, Bormio (janvier 2004)