

Nationalité française

Né le 22 avril 1974

Marié, 2 enfants

Université de Montpellier  
IMAG, Case Courrier 51  
Place Eugène Bataillon  
34095 Montpellier cedex 5

+33 (0)467143517  
jean-michel.marin@umontpellier.fr  
<https://imag.umontpellier.fr/~marin/>

---

**Professeur en statistique**  
**Directeur de l'Institut Montpelliérain Alexander Grothendieck**  
**Directeur-Adjoint de la Faculté des Sciences de Montpellier**  
**Président de la Société Française de Statistique**

---

---

**Situation administrative**

---

- depuis 2008* Université de Montpellier (Montpellier, France)  
**Professeur** section CNU 26  
Institut Montpelliérain Alexander Grothendieck (IMAG)
- 2007 - 2008* École Polytechnique (Palaiseau, France)  
**Professeur Chargé de Cours à temps partiel**
- 2004 - 2008* INRIA Saclay Île-de-France, Projet SELECT  
**Chargé de Recherche**  
Laboratoire de Mathématiques d'Orsay, Université Paris-Saclay (Orsay, France)
- 2002 - 2004* Université Paris Dauphine (Paris, France)  
**Maître de Conférences** section CNU 26  
CEREMADE

---

## Cursus universitaire

---

- 2007 **Habilitation à Diriger des Recherches**  
Université Paris Dauphine, le 14 décembre 2007  
Titre : *Méthodes de Monte-Carlo adaptatives et statistique bayésienne*
- 2001 **Docteur** en mathématiques appliquées option statistique et probabilités  
Université Paul Sabatier (Toulouse, France), le 26 octobre 2001  
Titre : *Statistique des modèles à structure de covariance bande-diagonale linéaire*
- 1997 **DEA Mathématiques Appliquées** option statistique et probabilités  
Université Paul Sabatier
- 

## Principales responsabilités collectives

---

- depuis 2018* **Président** de la Société Française de Statistique  
Société savante dans le domaine des mathématiques  
environ 1000 membres personnes physiques
- depuis 2018* **Directeur-Adjoint** de la Faculté des Sciences de Montpellier  
en charge de la politique scientifique  
environ 9000 étudiants
- depuis 2015* **Directeur** de l'Institut Montpelliérain Alexander Grothendieck  
UMR CNRS 5149, plus de 100 membres permanents
- 2010 - 2015 **Directeur-Adjoint** de l'Institut de Mathématiques et Modélisation  
de Montpellier, UMR CNRS 5149
- 2006 - 2011 **Secrétaire Général de la Société Française de Statistique**
- 

## Activités d'enseignement

---

Domaine des statistiques et des probabilités, spectre large, publics divers

**Liste non exhaustive des enseignements dont j'ai eu l'entière responsabilité  
depuis 2008 à Faculté des Sciences de Montpellier**

- Depuis 2019* Cours de Statistique bayésienne  
Master Biostatistique
- Depuis 2015* Cours/TD de Scoring  
Master Mathématiques de l'Information et de la Décision
- Depuis 2015* Cours/TD de Modèles linéaires généralisés  
Master Mathématiques de l'Information et de la Décision
- 2011 - 2015* Cours/TD Statistique Computationnelle  
Masters Biostatistique et MASS
- 2008 - 2015* Cours Méthodes de Monte-Carlo et Algorithmes Stochastiques  
Master Biostatistique
- 2008 - 2015* Cours Analyse Mathématiques des Risques  
Master MASS
- 2008 - 2014* Cours/TD Statistique Inférentielle  
Licence Mathématiques

---

**Responsabilités pédagogiques**

---

- 2010 - 2013* **Responsable du Master Mathématiques Statistique et Applications**  
Université Montpellier 2
- 2009 - 2011* **Responsable du Master 2 de Biostatistique**  
Université Montpellier 2

---

**Activités de recherche**

---

Statistique bayésienne, Choix de modèles  
Méthodes d'inférence bayésienne approchées (Approximate Bayesian Computation)  
Méthodes de Monte-Carlo et d'échantillonnage préférentiel, Génétique des populations

---

## Participation à des contrats ou réseaux

---

- Depuis 2018* porteur IMAG projet **ANR ABSint** piloté par Christian Robert  
Solutions bayésiennes approchées pour l'inférence  
dans de grands jeux de données et dans des modèles complexes
- Depuis 2018* Responsable de l'**Initiative Clé de l'I-Site MUSE Data and Life Sciences**  
financement de 410000 euros pour deux ans renouvelable
- 2012 - 2018* membre du comité de direction de l'**Institut de Biologie Computationnelle**  
co-responsable de l'axe passage à l'échelle des analyses évolutive  
PIA porté par Olivier Gascuel (2012 - 2015) et Éric Rivals (2015 - 2018)
- 2010 - 2015* membre du comité de pilotage du **Labex NUMEV**  
Solutions Numériques, Matérielles et Modélisation pour l'Environnement  
et le Vivant
- 2009 - 2014* porteur I3M projet **ANR EMILE**, ppiloté par Renaud Vitalis  
ayant succédé en 2012 à Jean-Marie Cornuet  
inférence statistique en génétique des populations
- 2008 - 2012* membre projet **ANR BIG'MC**, piloté par Gersende Fort  
Méthodes de Monte-Carlo en grande dimension
- 2005 - 2008* membre projet **ANR MISGEPOP**, piloté par Jean-Marie Cornuet  
Inférence statistique en génétique des populations
- 2005 - 2008* membre projet **ANR ADAP'MC**, piloté par Éric Moulines  
Méthodes de Monte-Carlo adaptatives
- 

## Responsabilités éditoriales

---

- depuis 2018* **Éditeur associé de la revue Bayesian Analysis**
- depuis 2009* **Éditeur associé du Journal de la Société Française de Statistique**

---

## Encadrement de thèses

---

- 2016 - 2019 **Louis Raynal**, *Statistical inference for intractable likelihood models*  
soutenue le 10/09/2019 à Montpellier  
**Post-Doctorant, Harvard University**
- 2012 - 2015 **Julien Stoehr**, *Méthodes d'inférence statistique pour champs de Gibbs*  
soutenue le 29/10/2015 à Montpellier  
**Maître de Conférences, Université Paris Dauphine**
- 2009 - 2012 **Mohammed Sedki**, *Echantillonnage préférentiel adaptatif et méthodes bayésiennes approchées appliquées à la génétique des populations*  
soutenue le 31/10/2012 à Montpellier  
**Maître de Conférences, Université Paris-Saclay**
- 2007 - 2010 **Pierre Barbillon**, *Plans d'expérience pour l'analyse des gros codes numériques*  
soutenue le 21/11/2010 à Orsay  
**Maître de Conférences, AgroParisTech**

---

## Co-encadrements de thèses

---

- depuis oct. 2018 **Raphaël Romero**, *Prédiction des sites de fixation des facteurs de transcription*  
soutenance prévue fin 2021
- 2015 - 2018 **May Taha**, *Probing sequence-level instructions for gene expression*  
soutenue le 28/10/2018 à Montpellier  
**Ingénieure de recherche chez BIOASTER**
- 2013 - 2016 **Coralie Merle**, *Nouvelles méthodes d'inférence de l'histoire démographique à partir de données génétiques*  
soutenue le 12/12/2016 à Montpellier  
**Enseignante dans le secondaire**
- 2006 - 2009 **Jean-Patrick Baudry**, *Sélection de modèles pour la classification non supervisée, choix du nombre de composantes*  
soutenue 03/12/2009 à Orsay  
**Maître de Conférences, Sorbonne Université**

---

## Comités scientifiques et d'organisations

---

- 2016* président du Comité Organisation **47-ièmes Journées de Statistique**, Montpellier
- 2014* président du Comité Scientifique **45-ièmes Journées de Statistique**, Rennes
- 2013* membre du Comité Scientifique **44-ièmes Journées de Statistique**, Toulouse
- 2012 - 2014* membre des Comités Scientifiques et d'Organisation **Workshops MCEB**  
Mathematical and Computational Evolutionary Biology  
Juin 2012, Mai 2013 et Juin 2014, Montpellier
- 2009* membre du Comité Scientifique des **41-ièmes Journées de Statistique**, Bordeaux
- 2008* membre du Comité d'Organisation des **40-ièmes Journées de Statistique**, Ottawa
- 

## Logiciels

---

2. R library abcrf (version 1.8.1, Octobre 2019) Approximate Bayesian Computation via Random Forests
  1. DIYABC (version 2.1.0, July 2015) a user-friendly approach to Approximate Bayesian Computation for inference on population history using molecular markers
- 

## Liste de publications

---

### Habilitation à Diriger des Recherches

**Marin** (2007) *Méthodes de Monte-Carlo adaptatives et statistique bayésienne*, Habilitation à Diriger des Recherches de l'**Université Paris Dauphine**

---

## Thèse

**Marin** (2001) *Statistique des modèles à structure de covariance bande-diagonale linéaire*,  
Thèse de l'Université Paul Sabatier de Toulouse

---

## Livres (2)

2. **Marin** and Robert (2014) **Bayesian Essentials with R**, Springer Texts in Statistics, Springer, New York
  1. **Marin** and Robert (2007) **Bayesian Core: A Practical Approach to Computational Bayesian Statistics**, Springer Texts in Statistics, Springer, New York
- 

## Publications dans des revues internationales avec comités de lecture (41)

41. Chapuis, Raynal, Plantamp, Meynard, Blondin, **Marin** and Estoup (2020) A young age of subspecific divergence in the Desert locust *Schistocerca gregaria*, inferred by ABC Random Forest, **peer-reviewed and recommended by PCI Evolutionary Biology**
40. **Marin**, Pudlo and Sedki (2019) Consistency of Adaptive Importance Sampling and Recycling Schemes, **Bernoulli**, 25(3), 1977-1998
39. Raynal, **Marin**, Pudlo, Ribatet, Robert and Estoup (2019) ABC random forests for Bayesian parameter inference, **Bioinformatics**, 35(10), 1720-1728
38. Bessière, Taha, Petitprez, Vandell, **Marin**, Bréhélin, Lèbre and Lecellier (2018) Probing instructions for expression regulation in gene nucleotide compositions, **PLOS Computational Biology**, 14(1), e1005921
37. Fraimout, Debat, Fellous, Hufbauer, Foucaud, Pudlo, **Marin**, Price, Cattell, Chen, Deprá, Duyck, Guedot, Kenis, Kimura, Loeb, Loiseau, Martinez-Sañudo, Pascual, Polihronakis, Richmond, Shearer, Singh, Tamura, Xuéreb, Zhang and Estoup (2017) Deciphering the Routes of invasion of *Drosophila suzukii* by Means of ABC Random Forest, **Molecular Biology and Evolution**, 34 (4), 980-996
36. Stoehr, **Marin** and Pudlo (2016) Hidden Gibbs random fields model selection using Block Likelihood Information Criterion, **Stat**, 5(1), 158-172

35. Pudlo, **Marin**, Cornuet, Estoup, Gautier and Robert (2016) Reliable ABC model choice via random forests, **Bioinformatics**, 32(6), 859-866
34. Auffray, Barbillon and **Marin** (2014) Bounding rare event probabilities in computer experiments, **Computational Statistics and Data Analysis**, 80, 153-166
33. Cornuet, Pudlo, Veyssier, Dehne-Garcia, Gautier, Leblois, **Marin** and Estoup (2014) DIYABC v2.0: a software to make Approximate Bayesian Computation inferences about population history using Single Nucleotide Polymorphism, DNA sequence and microsatellite data, **Bioinformatics**, 30(8), 1187-1189
32. **Marin**, Pillai, Robert and Rousseau (2014) Relevant statistics for Bayesian model choice, **Journal of the Royal Statistical Society, Series B**, 76(5), 833-859
31. Cucala and **Marin** (2013) Bayesian Inference on a Mixture Model With Spatial Dependence, **Journal of Computational and Graphical Statistics**, 22(3), 584-597
30. Auffray, Barbillon and **Marin** (2012) Maximin design on non hypercube domain and kernel interpolation, **Statistics and Computing**, 22(3), 703-712
29. Besnard, Babled, Lapasset, Milhavet, Parrinello, Dantec, **Marin** and Lemaitre (2012) Unraveling cell type-specific and reprogrammable human replication origin signatures associated with G-quadruplex consensus motifs, **Nature Structural and Molecular Biology**, July 1
28. Celeux, El Anbari, **Marin** and Robert (2012) Regularization in regression: comparing Bayesian and frequentist methods in a poorly informative situation, **Bayesian Analysis**, 7(2), 477-502
27. Cornuet, **Marin**, Mira and Robert (2012) Adaptive Multiple Importance Sampling, **Scandinavian Journal of Statistics**, 39(4), 798-812
26. Donnet and **Marin** (2012) An empirical Bayes procedure for the selection of Gaussian graphical models, **Statistics and Computing**, 22(5), 1113-1123
25. Estoup, Lombaert, **Marin**, Guillemaud, Pudlo, Robert and Cornuet (2012) Estimation of demo-genetic model probabilities with Approximate Bayesian Computation using linear discriminant analysis on summary statistics, **Molecular Ecology Resources**, 12(5), 846-855
24. **Marin**, Pudlo, Robert and Ryder (2012) Approximate Bayesian Computation methods, **Statistics and Computing**, 22(6), 1167-1180
23. Robert, Cornuet, **Marin** and Pillai (2011) Lack of confidence in approximate Bayesian computation model choice, **Proceedings of the National Academy of Science**, 108(37), 15112-15117



22. Iacobucci, **Marin** and Robert (2010) On variance stabilisation by double Rao-Blackwellisation, **Computational Statistics and Data Analysis**, 54, 698-710
21. Jouini, **Marin** and Napp (2010) Discounting and Divergence of Opinion, **Journal of Economic Theory**, 145(2), 830-859
20. **Marin** and Robert (2010) On resolving the Savage-Dickey paradox, **Electronic Journal of Statistics**, 4, 643-654
19. Beaumont, Cornuet, **Marin** and Robert (2009) Adaptive approximate Bayesian computation, **Biometrika**, 96(4), 983-990
18. Casarin and **Marin** (2009) Online data processing: Comparison of Bayesian regularized particle filters, **Electronic Journal of Statistics**, 3, 239-258
17. Cucala, **Marin**, Robert, and Titterton (2009) A Bayesian reassessment of nearest-neighbour classification, **Journal of the American Statistical Association, Theory and Methods**, March 1, 104(485), 263-273
16. Grelaud, Robert, **Marin**, Rodolphe and Taly (2009) ABC likelihood-free methods for model choice in Gibbs random fields, **Bayesian Analysis**, 4(2), 317-336
15. Ben Mansour, Jouini, **Marin**, Napp and Robert (2008) Are risk agents more optimistic? A Bayesian estimation approach, **Journal of Applied Econometrics**, 23, 843-860
14. Cappe, Douc, Guillin, **Marin** and Robert (2008) Adaptive Importance Sampling in General Mixture Classes, **Statistics and Computing**, 18, 447-459
13. Cornuet, Santos, Beaumont, Robert, **Marin**, Balding, Guillemaud and Estoup (2008) Inferring population history with DIY ABC: a user-friendly approach Approximate Bayesian Computation, **Bioinformatics**, 24(23), 2713-2719
12. **Marin** and Robert (2008) Approximating the marginal likelihood in mixture models, **Indian Bayesian Society News Letter**, V(1), 2-7
11. Robert and **Marin** (2008) On some difficulties with a posterior probability approximation technique, **Bayesian Analysis**, 3(2), 427-442
10. Consonni and **Marin** (2007) Mean field variational Bayesian inference for latent variable models, **Computational Statistics and Data Analysis**, 52(2), 790-798
9. Douc, Guillin, **Marin** and Robert (2007) Minimum variance importance sampling via Population Monte Carlo, **ESAIM: Probability and Statistics**, 11, 427-447
8. Douc, Guillin, **Marin** and Robert (2007) Convergence of adaptive mixtures of importance sampling schemes, **Annals of Statistics**, 35(1), 420-448

7. Druilhet and **Marin** (2007) Invariant HPD and MAP based on Jeffreys measure, **Bayesian Analysis**, 2(4), 681-692
6. Kendall, **Marin** and Robert (2007) Confidence bands for Brownian motion and applications to Monte Carlo simulations, **Statistics and Computing**, 17(1), 1-10
5. **Marin** (2007) Estimation of variance components for a linear Toeplitz model, **Communications in Statistics: Theory and Methods**, 36(12), 2273-2288
4. Celeux, **Marin** and Robert (2006) Iterated importance sampling in missing data problems, **Computational Statistics and Data Analysis**, 50(12), 3386-3404
3. Cappé, Guillin, **Marin** and Robert (2004) Population Monte Carlo, **Journal of Computational and Graphical Statistics**, 13(4), 907-929
2. **Marin** and Dhorne (2003) Optimal quadratic unbiased estimation for models with linear Toeplitz covariance structure, **Statistics**, 37(2), 85-99
1. **Marin** and Dhorne (2002) Linear Toeplitz covariance structure models with optimal estimators of variance components, **Linear Algebra and Its Applications**, 354(1-3), 195-212

---

**Publications dans revues nationales  
avec comité de lecture (5)**

5. Estoup, Raynal, Verdu, **Marin** (2018) Model choice using Approximate Bayesian Computation and Random Forests: analyses based on model grouping to make inferences about the genetic history of Pygmy human populations, *Journal de la Société Française de Statistique*, 159(3), 167-190
4. Auffray, Barbillon and **Marin** (2011) Modèles réduits a partir d'expérience numériques, *Journal de Société Française de Statistique*, 152(1), 89-102
3. Grelaud, Robert and **Marin** (2009) ABC methods for model choice in Gibbs random fields, *Compte Rendus Académie des Sciences - Paris, Ser. I*, 347, 205-210
2. Celeux, **Marin** and Robert (2006) Sélection bayésienne de variables en regression linéaire, *Journal de la Société Française de Statistique*, 147(1), 59-79
1. Guillin, **Marin** and Robert (2005) Estimation bayésienne approximative par échantillonnage préférentiel, *Revue de Statistique Appliquée*, LIII(1), 79-95

---

### Chapitres d'ouvrages (8)

8. Celeux, Kamary, Malsiner-Walli, **Marin**, Robert (2019) Computational Solutions for Bayesian Inference in Mixture Models, **In Handbook of Mixture Analysis, chapter 5, Chapman and Hall/CRC**
7. Estoup, Verdu, **Marin**, Robert, Dehne-Garcia, Cornuet and Pudlo (2019) Application of approximate Bayesian computation to infer the genetic history of Pygmy hunter-gatherers populations from Western Central Africa, **In Handbook of Approximate Bayesian Computation, chapter 18, Chapman and Hall/CRC**
6. **Marin**, Pudlo, Estoup and Robert (2019) Likelihood-free model choice, **In Handbook of Approximate Bayesian Computation, chapter 6, Chapman and Hall/CRC**
5. Robert, **Marin** and Rousseau (2011) Bayesian Inference and Computation, **In Handbook of Statistical Systems Biology, chapter 3, John Wiley & Sons**
4. **Marin** and Robert (2010) Importance sampling methods for Bayesian discrimination between embedded models, *In Frontiers of Statistical Decision Making and Bayesian Analysis, pages 513-527, Springer-Verlag*
3. Robert and **Marin** (2010) On computational tools for Bayesian analysis, **In Rethinking Risk Measurement and Reporting, Volume I, Uncertainty, Bayesian Analysis and Expert Judgement, chapter 2, Risk Books**
2. Lee, **Marin**, Mengersen and Robert (2009) Bayesian inference on mixtures of distributions, **In Perspectives in Mathematical Sciences I, Probability and Statistics**, pages 165-202, World Scientific
1. **Marin**, Mengersen and Robert (2005) Bayesian modelling and inference on mixtures of distributions, **In Handbook of Statistics 25, Bayesian Thinking Modeling and Computation**, pages 459-507, Elsevier

---

### Actes publiés de conférences internationales (2)

2. **Marin**, Pudlo and Sedki (2012) Optimal parallelization of a sequential approximate Bayesian computation algorithm, WSC 2012, Berlin
1. Baudry, Celeux and **Marin** (2008) Selecting models focussing on the modeller's purpose, COMPSTAT 2008: Proceedings in Computational Statistics (P. Brito, Ed.), Physica-Verlag, Heidelberg, 337-348

---

## Editorial

1. Rousset and **Marin** (2018) Editorial for the Special Issue on Models and Inference in Population Genetics, *Journal de la Société Française de Statistique*, 159(3), 124-125
- 

## Discussions

6. **Marin**, Josse and Robert (2017) Discussion on a paper of A. Gelman and C. Hennig: Beyond subjective and objective in statistics, *Journal of the Royal Statistical Society Series A*, 180, 4
  5. **Marin** and Robert (2012) Discussion on a paper of P. Fearnhead and D. Prangle: Constructing summary statistics for approximate Bayesian computation: semi-automatic approximate Bayesian computation, *Journal of the Royal Statistical Society Series B*, 74, 3
  4. **Marin** and Robert (2011) Discussion on a paper of M. Girolami and B. Calderhead: Riemann manifold Langevin and Hamiltonian Monte Carlo methods, *Journal of the Royal Statistical Society Series B*, 73, 2
  3. Iacobucci, **Marin**, Robert and Mengersen (2011) Discussion on a paper of H. Lopes, C. Carvalho, M. Johannes and N. Polson: Particle Learning for Sequential Bayesian Computation, *Bayesian Statistics 9*, Oxford University Press
  2. **Marin** and Casarin and Robert (2009) Discussion on a paper of H. Rue, S. Martino and N. Chopin: Approximate Bayesian inference for latent Gaussian models by using integrated nested Laplace approximations, *Journal of the Royal Statistical Society Series B*, 71, 2
  1. **Marin** and Robert (2002) Discussion on a paper of S. L. Lauritzen and T. S. Richardson: Chain graph models and their causal interpretation, *Journal of the Royal Statistical Society Series B*, 64, 3
- 

## Vulgarisation

3. Marin and Robert (2009) Statistique bayésienne : les bases, *Techniques de l'Ingénieur*, AF605
2. François and **Marin** (2007) Initiation à R, *La revue Modulad*, 37, 83-101

1. **Marin** and Rossi (2004) Découvrez les réseaux bayésiens, *GNU/Linux Magazine France*, 60, 56-65

---

### Conférences internationales invités

---

30. Bayesian model choice as a classification problem, **XV Latin American Congress of Probability and Mathematical Statistics (CLAPEM 2019)**, Merida (décembre 2019)
29. Bayesian model choice as a classification problem, **Bayesian Biostatistics 2019**, Lyon (mai 2019)
28. Some recent advances on Approximate Bayesian Computation techniques **NIPS 17 PAC-Bayes workshop**, Long Beach (décembre 2017)
27. Approximate Bayesian Computation using Random Forests, **Joint Statistical Meetings 2017**, Baltimore (juillet 2017)
26. Validating and expanding Approximate Bayesian Computation, **BIRS Workshop**, Banff (février 2017)
25. Bayesian inference for mixture models in large dimension, what to expect and to do, **Working Group on Model-Based Clustering**, Paris (juillet 2016)
24. Approximate Bayesian Computation using Random Forests, **31st International Workshop on Statistical Modelling**, Rennes (juillet 2016)
23. ABC random forests for Bayesian parameter inference, **ISBA 2016 World Meeting**, Sardaigne (juin 2016)
22. ABC random forests for parameter inference, **ABCruise**, Helsinki (mai 2016)
21. Hidden Gibbs random fields model selection using Block Likelihood Information Criterion **CRiSM Workshop on Estimating Constants**, Warwick (mai 2016)
20. Approximate Bayesian Computation for inference on population history using molecular markers, **Eleventh International Meeting on Computational Intelligence Methods for Bioinformatics and Biostatistics, CIBB 2014**, Cambridge (juin 2014)
19. ABC methods for Bayesian model choice, **Workshop Monte Carlo Inference for Complex Statistical Models**, Isaac Newton Institute for Mathematical Science, Cambridge (avril 2014)

18. Approximate Bayesian Computation inferences about population history using large molecular datasets, **MCM'Ski 2014**, Chamonix (janvier 2014)
17. Relevant statistics for Bayesian model choice, **ERCIM 2013**, Londres (décembre 2013)
16. Optimal parallelization of a sequential approximate Bayesian computation algorithm, **Winter Simulation Conference 2012**, Berlin (décembre 2012)
15. Approximate Bayesian computation methods for model choice application to latent Gibbs random fields, **ERCIM 2012**, Oviedo (décembre 2012)
14. Estimation of demo-genetic model probabilities with Approximate Bayesian Computation using linear discriminant analysis on summary statistics, **ISBA 2012 World Meeting**, Kyoto (juin 2012)
13. Bayesian inference on a mixture model with spatial dependence, **Workshop on Advances in MCMC**, ICMS, Edinburgh (avril 2012)
12. ABC methods for Bayesian model choice, **III COBAL & XXXVIII JNE**, Pucón (octobre 2011)
11. Recent advances in ABC (Approximate Bayesian Computation), **Workshop on Recent advances in Bayesian Computation**, Singapour (septembre 2010)
10. Bayesian discrimination between embedded models, **COMPSTAT 2010 Tutorial**, Paris (août 2010)
9. Recent Advances in ABC (Approximate Bayesian Computation) methodology, **SIS 2010 Meeting**, Padoue (juin 2010)
8. Bayesian discrimination between embedded models, **Workshop on Challenging problems in Statistical Learning**, Paris (janvier 2010)
7. ABC methods for model choice in Gibbs random fields, **ABC in Paris**, Paris (juin 2009)
6. Adaptive Importance Sampling in General Mixture Classes, **Adap'Ski Meeting**, Bormio (janvier 2008)
5. A Bayesian reassessment of nearest-neighbour classification, **Spring Bayes 2007**, Coolangata (septembre 2007)
4. Adaptive multiple importance sampling, **Workshop on Bioinformatics, Genetics and Stochastic Computation: Bridging the Gap**, Banff (juillet 2007)
3. Variable selection in Gaussian linear regression, **The sixth International Workshop on Objective Bayesian Analysis**, Université La Sapienza, Rome (juin 2007)

2. Population Monte Carlo, **ISBA 2004 World Meeting**, Vina del Mar (mai 2004)
1. Convergence of adaptative sampling schemes, **Adap'Ski Meeting**, Bormio (janvier 2004)